

563.6-573.2 mbsf

1

2

3

LEG

3

0

1

SITE

1

3

0

1

HOLE

B

CORE

3

5

R

5
10
15
20
25
30
35
40
45
50
55
60
65
70
75
80
85
90
95
100
105
110
115
120
125
130
135
140
145
150

MBNU2

MBNU1

E
M
P
T
Y

